

# Formation qualifiante – Bioinformatique structurale 4 : dynamique de protéines

SCIENCES, TECHNOLOGIES, SANTÉ

## Présentation

### OBJECTIFS

La dynamique d'une macromolécule biologique joue un rôle prépondérant pour l'accomplissement de sa fonction. L'objectif de la formation est d'initier les participant.e.s à différentes méthodes in silico permettant de fournir des informations dynamiques et conformationnelles.

### COMPÉTENCES VISÉES

Les aspects théoriques seront abordés afin de clairement préciser les limites et les possibilités de telles approches. Différents exemples seront étudiés qui caractériseront différentes échelles de mouvement en présence de différents types d'environnement. Ainsi, le cas des protéines solubles et celui des protéines membranaires seront traités spécifiquement.

## Programme

### ORGANISATION

#### Partie théorique (8h)

Les échelles de temps, les échelles de mouvement

Dynamique moléculaire

Modèles élastiques

Analyse de trajectoires et exploration de données structurales au cours du temps

#### Partie pratique (27h)

Dynamique d'une protéine globulaire

Dynamique d'une protéine transmembranaire

Changement conformationnel de grande amplitude par dynamique vibrationnelle.

**Du 24 au 28 juin 2019**

5 jours / 35 heures

2450 €

(TVA 0% incluse)

## Contacts

### RESPONSABLE(S)

### CONTACT(S) ADMINISTRATIF(S)

Mme Peuvion-Chaloux Françoise

fcsdv@univ-paris-diderot.fr

Tel. 0157278234

## Infos pratiques

### Composante :

UFR SCIENCES DU VIVANT

### Formation accessible en :

Formation continue non diplômante

### Lieu d'enseignement :

Université Paris Diderot